

简 历

赵 耀



生 日：1984-10-13

出生地：湖北省宜昌市

E-mail: yaozhao@ncu.edu.cn

电 话：13970862580

一、简 介

赵耀，理学博士，南昌大学流域生态学研究所助理研究员，中国科学院庐山植物园特聘副研究员，南昌大学赣江青年学者。主要从事农作物遗传资源挖掘与利用以及植物进化生态相关的研究工作。主持或参与多项国家级科研项目，共发表研究论文 17 篇，其中 SCI 论文 14 篇。

二、研究方向

研究领域为农作物及其野生近缘种的遗传资源评价、挖掘与可持续利用，以长江流域起源的农作物为主要研究对象。博士研究生期间利用分子生态学手段揭示作物野生近缘种的种群遗传动态与自然进化过程，研究课题为野生稻自然种群的遗传结构以及形成机制。目前主要从事水生资源植物从头驯化以及植物与微生物协同进化相关研究：以菰/茭白为模式材料，基于对野生资源的表型观测与基因组重测序加速菰作为新型多年生粮食作物的从头驯化，并以组学、分子生物学等方法探寻植物-微生物复合体进化的遗传机理。

三、教育经历

2007 年 9 月至 2014 年 7 月 复旦大学，生命科学学院生态与进化生物学系，植物学专

业，硕博连读，获理学博士，导师：宋志平 教授 博士
学位论文：普通野生稻(*Oryza rufipogon*)种群变异的分布
格局以及形成机制

2003年9月至2007年7月 复旦大学，生命科学学院生物科学专业，获理学学士

四、工作经历

2017年11月至今 南昌大学，生命科学研究院，流域生态学研究所，助理研究员

2014年12月至2017年9月 复旦大学，生态学博士后流动站，博士后，合作导师：陈家宽 教授

五、教学工作

本科生教学

指导南昌大学本科创新学分子科研训练项目

六、科研项目

主持项目

1. 国家自然科学基金青年基金，基于菰与菰黑粉菌遗传变异式样的关联分析探讨茭白的驯化（31600293），20万，负责人，2017-2019
2. 博士后基金项目，利用简化基因组测序分析茭白的遗传变异以及驯化过程（2015M571483），5万，负责人，2015-2017

参与项目

1. 国家自然科学基金面上项目，基于比较基因组分析普通油茶和小果油茶野生居群遗传分化及果实性状变异（318703311），60万，主要技术骨干，2019-2022
2. 国家自然科学基金面上项目，基于模拟种群转基因频率和种群动态监测评价水稻转基因漂移对普通野生稻的影响（31170505），67万，主要技术骨干，2012-2015
3. 国家自然科学基金地区项目，基于不同纬度、海拔种群的生殖权衡和遗传变异式样

探讨青藏苔草的生态适应性 (31160048), 56 万, 主要参与者, 2012-2015

4. 国家自然科学基金面上项目, 普通野生稻有效种群大小与交配系统、基因流、遗传漂变的关系研究 (30970283), 30 万, 主要技术骨干, 2010-2012

5. 农业部转基因生物新品种培育重大专项, 抗虫转基因水稻对土壤生态系统的影响, 100 万, 主要参与者, 2009-2012

七、学术交流

- 2019 年 07 月 美国图森, 参加美国植物学会年会 (BSA2019), 作墙报展示
- 2018 年 11 月 湖北武汉, 参加系统与进化生物研讨会暨第十三届青年学术研讨会, 作分会场报告: 茭白的驯化及其野生遗传资源的挖掘利用
- 2018 年 11 月 江苏南京, 参加第一届全国水生植物资源利用与水生态修复研讨会, 作分会场报告: 茭白/菰野生遗传资源评价与可持续利用
- 2018 年 10 月 云南昆明, 参加中国植物学会第 16 次全国会员代表大会暨 85 周年学术年会, 作大会专题报告: 基于菰与菰黑粉菌遗传变异的关联分析探讨茭白的起源
- 2017 年 07 月 广东深圳, 参加第十九届国际植物学大会 (The XIX International Botanical Congress, Shenzhen, China)
- 2014 年 11 月 浙江杭州, 参加系统与进化生物研讨会暨第十一届青年学术研讨会
- 2014 年 10 月 湖北武汉, 参加第二届国际水生植物研讨会, 作墙报展示: Local adaptation enhances genetic divergence of *Oryza rufipogon*. (The 2nd International Symposium of Macrophytes, Wuhan, China.)
- 2012 年 06 月 上海, 参加基金委重大研究计划“微进化过程的多基因作用”项目学术研讨会
- 2010 年 10 月 江苏苏州, 参加冷泉港亚洲会议 (Cold Spring Harbor Asia Conferences: From Plant Biology to Crop Biotechnology, Suzhou, China.)
- 2007 年 12 月 海南海口, 第二届全国野生稻大会, 作会议报告: 中国药用野生稻的遗传结构。

八、学术服务

为生物多样性、Scientific Reports、Biochemical Systematics and Ecology、Journal of Systematics and Evolution 等学术期刊审稿

九、学术论文

1. **Zhao Y**, Song ZP, Zhong L, Li Q, Chen JK, Rong J. **2019**. Inferring the origin of cultivated *Zizania latifolia*, an aquatic vegetable of a plant-fungus complex in the Yangtze River Basin. *Frontiers in Plant Science*, 10, 1406.
2. Li Q, **Zhao Y**, Xiang XG, Chen JK, Rong J. **2019**. Genetic diversity of crop wild relatives under threats in Yangtze River Basin: call for enhanced in situ conservation & utilization. *Molecular Plant*, 12, 1535-1538.
3. Li L, Ding MM, Lan ZC, **Zhao Y**, Chen JK. **2019**. Light availability and patterns of allocation to reproductive and vegetative biomass in the sexes of the dioecious macrophyte *Vallisneria spirulosa*. *Frontiers in Plant Science*, 10, 572.
4. **Zhao Y**, Zhong L, Zhou K, Song ZP, Chen JK, Rong J. **2018**. Seed characteristic variations and genetic structure of wild *Zizania latifolia* along a latitudinal gradient in China: implications for neo-domestication as a grain crop. *AoB Plants*, 10, ply072.
5. 赵耀, 陈家宽. **2018**. 长江流域农作物起源及其与生物多样性特征的关联. *生物多样性*, 26(4), 333-345.
6. 宋志平, 陈家宽, 赵耀. **2018**. 水稻驯化与长江文明. *生物多样性*, 26(4), 346-356.
7. 赵耀, 李耕耘, 杨继. **2018**. 栽培植物野生近缘种的保护与利用. *生物多样性*, 26(4), 414-426.
8. Liu WS, **Zhao Y**, Qi D, You JL, Zhou Y, Song ZP. **2018**. The Tanggula Mountains enhance population divergence in *Carex moorcroftii*: a dominant sedge on the Qinghai-Tibetan Plateau. *Scientific Reports*, 8, 2741.
9. Liu WS*, **Zhao Y***, You JL, Qi DH, Zhou Y, Chen JK, Song ZP. **2016**. Morphological and genetic variation along a north-to-south transect in *Stipa purpurea*, a dominant grass on the Qinghai-Tibetan Plateau: implications for response to climate change. *PLoS ONE*, 11(8), e0161972. (*Co-author)
10. Zhou Y, Li XJ, **Zhao Y**, Zhou W, Li L, Wang B, Cui XH, Chen JK, Song ZP. **2016**. Divergences in reproductive strategy explain the distribution ranges of *Vallisneria* species in China. *Aquatic Botany*, 132, 41-48.
11. Zhu Z, Zhang L, Gao L, Tang S, **Zhao Y**, Yang J. **2016**. Local habitat condition rather than geographic distance determines the genetic structure of *Tamarix chinensis* populations in Yellow River Delta, China. *Tree Genetics & Genomes*, 12, 14.
12. You JL, Liu WS, **Zhao Y** et al. **2013**. Microsatellite markers in *Rhodiola* (Crassulaceae), a medicinal herb genus widely used in traditional Chinese medicine. *Application in Plant Science*, 1, 1-3.
13. **Zhao Y**, Vrieling K, Liao H, Xiao MQ, Zhu YQ, Rong J, Zhang WJ, Wang YG, Yang J, Chen JK, Song ZP. **2013**. Are habitat fragmentation, local adaptation and isolation-by-distance driving population divergence in wild rice *Oryza rufipogon*? *Molecular Ecology*, 22, 5537-5541.
14. **Zhao Y**, Chen CB, Rong J et al. **2012**. Population clonal diversity and fine-scale genetic structure in *Oryza officinalis* (Poaceae) from China, implications for in situ conservation. *Genetic Resource and Crop Evolution*, 59, 113-124.
15. Liao H, **Zhao Y**, Zhou Y et al. **2011**. Microsatellite markers in the traditional Chinese medicinal herb *Gynostemma pentaphyllum* (Cucurbitaceae). *American Journal of Botany*,

98, e61-e63.

16. Wang B, Liao H, **Zhao Y** et al. **2011**. Microsatellite loci in *Vallisneria natans* (Hydrocharitaceae) and cross-reactivity with *V. spinulosa* and *V. denseserrulata*. *American Journal of Botany*, 98, e44-e47.
17. Liu WS, Liao H, Zhou Y, **Zhao Y**, Song ZP. **2011**. Microsatellite primers in *Stipa purpurea* (Poaceae), a dominant species of the steppe on the Qinghai-Tibetan Plateau. *American Journal of Botany*, 98, e150-e151.