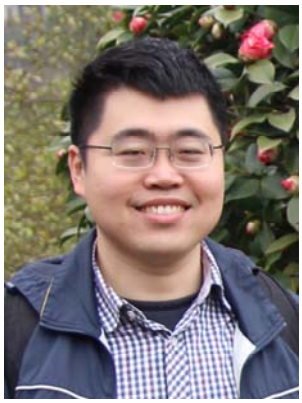
简　　历



戎　俊

1978 年 11 月生于广东省湛江市

地 址：江西省南昌市红谷滩新区学府大道 1299 号
邮 编：330031

E-mail：rong_jun@hotmail.com, rongjun@ncu.edu.cn
手 机：15170025164

一、简　介

戎俊，中共党员，理学博士，研究员、博导，南昌大学流域生态学研究所所长，鄱阳湖环境与资源利用教育部重点实验室副主任。兼任江西省人民政府研究室特约研究员，中国植物学会系统与进化植物学专业委员会委员，中国林学会经济林分会常务理事，中国生态学学会流域生态专业委员会委员，《植物研究》等编委。江西省“赣鄱英才 555 工程”创新创业人才。

主要从事分子生态学研究，致力于重要作物野生近缘种遗传多样性的保护与可持续利用。发表学术论文 61 篇，其中 SCI 论文 47 篇，论文引用 1830 余次。出版译著《分子生态学（第二版）》。为 *New Phytologist*、*Plant Biotechnology Journal*、*Horticulture Research*、*Journal of Ecology* 等三十多种国际知名 SCI 期刊审稿。获上海市自然科学奖一等奖（排名第二）。担任江西省科学技术奖、国家重点研发计划项目等答辩评审专家。为江西省和国家生物多样性保护和利用提供咨询报告等 6 份，获省领导肯定批示和中办单篇录用。

牵头南昌大学油茶资源挖掘与利用研究团队，担任中国农技协江西新建油茶科技小院首席专家，助力油茶产业发展，服务乡村振兴，得到中央电视台《新闻联播》、《中国教育报》头版头条等专题报道，入选教育部第六届省属高校精准帮扶典型项目。

二、研究方向

研究作物野生近缘种遗传多样性的保护与可持续利用，以长江流域可持续发展中重要的栽培植物及其野生近缘种为主要研究对象，应用分子生态学的原理与方法：1）研究遗传多样性格局及其形成机制；2）探讨气候变化和人类活动对遗传多样性的影响与保护策略；3）挖掘和利用与重要农艺性状相关联的遗传多样性资源。

三、教育经历

2001 年 9 月至 2007 年 1 月	复旦大学，生态与进化生物学系，生态学硕博连读，博士学位论文：《花粉介导的水稻（*Oryza sativa* L.）基因漂移及其模型的研究》，导师：卢宝荣教授，获理学博士学位
1997 年 9 月至 2001 年 6 月	浙江大学，生物技术系，生物技术专业，获理学学士学位

四、工作经历

2023 年 9 月至今	南昌大学，生命科学学院，生态学系，研究员
2021 年 5 月至今	鄱阳湖环境与资源利用教育部重点实验室，副主任
2020 年 9 月至 2023 年 8 月	中国科学院庐山植物园，兼职研究员
2020 年 6 月至 2022 年 6 月	江西省林业科学院，兼职研究员
2020 年 6 月至今	南昌大学流域生态学研究所，所长
2019 年 7 月至今	南昌大学，生物学，博士研究生指导教师
2018 年 9 月至 2023 年 8 月	江西省流域生态演变与生物多样性重点实验室，主任
2015 年 12 月至今	南昌大学，研究员
2014 年 9 月至 2019 年 8 月	南昌大学，赣江特聘教授
2014 年 6 月至今	南昌大学，生态学，硕士研究生指导教师
2012 年 7 月至 2023 年 9 月	南昌大学，生命科学研究院，流域生态学研究所，PI
2007 年 9 月至 2012 年 6 月	荷兰莱顿大学，生物学研究院，植物生态与植物化学组，博士后，导师：Klaas Vrieling

五、教学工作

1．本科生教学

2014 年至今	主讲南昌大学生态学本科专业课《分子生态学》
2013 年至今	指导南昌大学本科毕业论文
2018 年 12 月	讲授浙江大学生态学本科专业课《分子生态学》：生态基因组学
2014 年至 2018 年	指导南昌大学本科生创新学分科研训练项目
2009 年至 2011 年	荷兰莱顿大学分子生物学技术（Molecular Biological Techniques）课程助教

2. 研究生教学

2014 年至今　　主讲南昌大学生态学研究生专业课《分子生态学》

2012 年至今　　指导南昌大学生态学硕士研究生

2021 年至今　　指导南昌大学生物学博士研究生

六、科研项目

主持项目：

1. **国家自然科学基金面上项目，**普通油茶与小果油茶的果实驯化性状及相关基因的演化（32270238），54 万，主持人，2023-2026
2. **国家自然科学基金面上项目，**基于比较基因组分析普通油茶和小果油茶野生居群遗传分化及果实性状变异（31870311），60 万，主持人，2019-2022
3. **国家自然科学基金地区项目，**野生油茶种群遗传分化与种子脂肪酸组成的地理格局（31460072），50 万，主持人，2015-2018
4. **江西省科技厅科技创新平台项目，**江西省流域生态演变与生物多样性重点实验室（20181BCD40002），50 万，负责人，2018-2021
5. **江西省“赣鄱英才 555 工程”创新创业人才引进计划项目，**100 万，主持人，2013-2016
6. **南昌大学人才引进科研启动项目，**50 万，主持人，2012-2017

参与项目：

1. **国家重点研发计划专项“主要经济作物优质高产与产业提质增效科技创新”项目，**特色经济林重要性状形成与调控（2018YFD1000600），课题：木本油料重要性状形成与调控（2018YFD1000603），子课题：木本油料干旱、低温等逆境胁迫下的适应机制与调控（2018YFD1000603-05），任务：油茶低温胁迫下的适应机制与调控，30 万，任务负责人，2018-2022
2. **荷兰政府转基因作物生态安全评价专项（ERGO），**Quantifying risks of transgenes with hazard rates, using carrot as a model species (838.06.031)，78 万欧元，子课题承担人，2007-2012
3. **国家自然科学基金青年项目，**栽培稻种质渗入对普通野生稻居群分化的影响研究（30300019），19 万，主要技术骨干，2004-2006
4. **上海市科委重大项目，**籼稻与粳稻比较基因组学及亚种间遗传多样性和表型差异的分子基础研究（03DJ14014），90 万，主要技术骨干，2003-2006
5. **上海市科委攻关项目，**水稻功能基因安全利用与技术平台研究（03dz19309），80 万，主要技术骨干，2003-2006
6. **上海市科委重点项目，**转基因稻的外源基因逃逸及其生态安全评估研究（02JC14022），20 万，主要技术骨干，2002-2005

七、学术奖项

2009 年 11 月	上海市自然科学奖一等奖（排名第二），获奖项目：转基因水稻外源基因逃逸及其环境生物安全机理（卢宝荣，**戎俊**，宋志平，陈家宽，葛颂）
2008 年 12 月	上海市优秀博士学位论文奖
2008 年 6 月	复旦大学优秀博士学位论文奖

八、学术交流

2024 年 11 月	江西井冈山，应邀参加“习近平生态文明思想暨井冈山‘两山’转化学术研讨会”，做学术报告：小油茶书写“两山”转化大文章：井冈山油茶林生态产品价值实现路径
2024 年 11 月	江西南昌，应邀参加江西省林学会油茶专业委员会换届暨油茶资源培育与利用江西省重点实验室学术研讨会，做学术报告：油茶杂交多倍化起源及耐低温适应性进化的分子基础
2024 年 10 月	云南广南，应邀参加云南省林业和草原科学院油茶研究所建所 60 周年学术交流暨发展研讨会，做学术报告：油茶资源挖掘与利用——小油茶书写乡村振兴大文章
2024 年 10 月	新疆乌鲁木齐，参加全国系统与进化植物学研讨会暨第十六届青年学术论坛，参加系统与进化植物学与“大食物观”专题，做分组报告：油茶杂交多倍化起源及关键性状演化的分子基础
2023 年 10 月	江西南昌，组织第六届中国生态文明大讲坛，积极传播绿水青山就是金山银山理念，同时展示了践行绿水青山就是金山银山的“江西样板”
2023 年 8 月	江西南昌，参加第二届全国自然保护地与生物多样性保护学术研讨会，参与陈家宽教授的大会报告：我们研究长江流域生物多样性与自然保护的轨迹与感悟
2023 年 7 月	黑龙江哈尔滨，参加第八届中国林业学术大会油茶分会场，作专题报告：油茶抗冻的分子机制
2023 年 5 月	湖南长沙，参加中国林学会经济林分会第九届理事会换届选举大会暨 2023 年学术年会，作大会主题报告：普通油茶种群遗传多样性及杂交多倍化起源
2022 年 1 月	江西南昌，参加江西农业大学拾禄创新文化论坛生态论坛，作特邀报告：油茶野生居群遗传分化的地理格局及近缘种系统发育关系
2020 年 11 月	云南中国科学院西双版纳热带植物园，参加全国系统与进

	化植物学研讨会暨第十四届青年学术研讨会，作学术报告：中国种子植物种子含油率及脂肪酸组成的地理格局初探
2019 年 11 月	河南郑州，参加中国林学会经济林分会 2019 年学术年会，作大会主题报告：中国种子植物种子含油率及脂肪酸组成地理格局初探——油脂植物资源挖掘与利用的启示
2019 年 7 月	美国图森，应邀参加美国植物学大会 Botany 2019，主要参加美国植物学会经济植物分会组织的 Field Trip: Crop Wild Relatives Conservation in the Southwest、Symposium – Crop Wild Relatives and Land Races: the Sky Islands of Southwest North American Agriculture 和 Crop and Wild Relatives 专题报告，作 Crop and Wild Relatives 专题第一个口头报告：Crop wild relative conservation and utilization for Yangtze River Basin sustainability，两个海报：Geographical patterns of genetic differentiation in wild *Camellia oleifera* and relative species phylogenetic relationships 和 Inferring the domestication history of the cultivated *Zizania latifolia* in the Yangtze River Basin
2019 年 7 月	湖北武汉，应邀到中国农科院油料作物研究所学术交流，作学术报告：中国种子植物种子含油率及脂肪酸组成的地理格局初探——油脂植物资源挖掘与利用的启示
2019 年 6 月	江西南昌，参加第二届国家生态文明试验区建设（江西）论坛，作会议报告：长江流域生态文明建设与植物遗传资源
2019 年 5 月	上海，组织和参加上海论坛“流域生物多样性与生态文明建设”子论坛，与来自亚洲、非洲、北美洲和南美洲研究大河流域生物多样性保护的学者、官员和 NGO 负责人等进行学术交流，作学术报告：长江流域可持续发展与植物遗传资源，参与起草和发布《保护流域生物多样性上海宣言》
2018 年 12 月	浙江杭州，应邀到浙江大学学术交流，作学术报告：普通油茶野生居群遗传分化的地理格局及近缘种系统发育关系
2018 年 11 月	湖北武汉，参加 2018 全国系统与进化植物学研讨会暨第十三届青年学术研讨会，作分会场学术报告：普通油茶野生居群遗传分化的地理格局及近缘种系统发育关系
2018 年 11 月	湖南长沙，参加第六届中国林业学术大会，参加经济林分会场会议暨中国林学会经济林分会 2018 年学术年会，作主题报告：油茶耐低温胁迫的分子机制
2018 年 10 月	江西南昌，参加 2018 江西智库峰会生态文明建设专题论

	坛，参与专题论坛组织及新闻媒体采访报道工作，参与陈家宽教授主旨报告：鄱阳湖流域自然特征、优劣势分析及生态文明建设方略，参与相关调研报告的撰写并提交江西省政府
2018 年 10 月	云南昆明，参加中国植物学会第十六次全国会员代表大会暨八十五周年学术年会，指导研究生秦声远作大会专题报告：普通油茶野生居群遗传分化的地理格局及近缘种系统发育关系
2018 年 8 月	黑龙江哈尔滨，参加森林与健康国际研讨会暨林下经济产业论坛，作大会主题报告：Comprehensive conservation of Yangtze River Basin and sustainable utilization of economic forest crop genetic resources: A case study of oil-tea camellia, a subtropical evergreen broadleaf oilseed plant
2018 年 7 月	贵州贵阳，参加生态文明贵阳国际论坛 2018 年年会
2018 年 3 月	江西南昌，参加首届国家生态文明试验区建设（江西）论坛暨生态文明建设技术推介会，作分会报告：生物多样性保护与利用——兼论“绿水青山”就是“金山银山”
2017 年 8 月	黑龙江哈尔滨，参加中国林学会经济林分会 2017 年学术年会，作大会主题报告：野生油茶潜在分布及纬度梯度遗传分化格局
2017 年 7 月	广东深圳，参加第 19 届国际植物学大会
2017 年 5 月	北京，参加第五届中国林业学术大会
2016 年 11 月	广东深圳，国家基因库，参加第十一届国际基因组学大会
2016 年 10 月	湖北武汉，参加 2016 年全国植物生物学大会，作墙报展示：转录组测序分析揭示油茶冷驯化相关基因
2016 年 8 月	甘肃兰州，参加第十五届中国生态学大会，作分会专题报告：油茶冷驯化分子机制的初步研究
2013 年 10 月	江西南昌，参加第一届流域生态学高峰论坛，作专题报告：作物野生近缘种遗传多样性格局及其形成机制
2012 年 2 月	荷兰阿姆斯特丹，参加转基因作物生态风险评价 ERGO（Ecology Regarding Genetically Modified Organisms）项目大会
2011 年 11 月	荷兰瓦赫宁根大学，参加国际植物育种基因组学大会：Plant breeding in the genomics era
2011 年 11 月	荷兰莱顿，参加生物学研究所年会：Systems Biology
2011 年 7 月	荷兰莱顿，组织国际学术研讨会，讨论转基因逃逸的风险评价：Transgenes Going Wild? 作报告：How to estimate the chance of transgene introgression: a carrot case study

2011 年 6 月	荷兰阿姆斯特丹，参加第四次生态基因组学（Ecogenomics）大会，作报告：New insights into carrot domestication from root transcriptome analysis
2010 年 11 月	荷兰莱顿，参加生物学研究所年会：The New Biology: The Impact of Genomics on Biology，作报告：Developing molecular markers to detect introgression from cultivated to wild carrots
2010 年 2 月	荷兰乌得勒支，参加转基因作物的生态风险评价项目 ERGO 大会
2010 年 2 月	荷兰 Lunteren，参加荷兰生态学年会，作报告：Contemporary pollen dispersal in a wild carrot population
2009 年 2 月	荷兰 Lunteren，参加荷兰生态学年会，作报告：Fine-scale genetic structure and gene dispersal within Dutch wild carrot populations
2008 年 9 月	葡萄牙波尔图，参加国际保护遗传学数据分析讲习班：Recent Approaches for Estimation of Population Size, Structure, Gene Flow and Selection Detection
2007 年 4 月	南京，参加杂草科学与农业生产安全国际学术研讨会
2003 年 9 月	南昌，参加第一届全国野生稻大会

九、学术服务

1. 学术任职

2024 年 12 月至今	湿地植物资源保护与利用江西省重点实验室学术委员会委员
2024 年 11 月至今	江西省林学会油茶专业委员会常务委员
2024 年 11 月至今	油茶资源培育与利用江西省重点实验室学术委员会委员
2024 年 3 月至今	《经济林研究》编委会委员
2023 年 10 月至今	中国生态学学会流域生态专业委员会委员
2023 年 5 月至今	中国林学会经济林分会理事会常务理事
2022 年 5 月至今	江西省人民政府研究室特约研究员
2020 年 7 月至今	《南方林业科学》编委会委员
2018 年 10 月至今	中国植物学会系统与进化植物学专业委员会委员
2016 年 12 月至今	《植物研究》编委会委员

2. 期刊编审

应邀为著名学术期刊编辑：

Frontiers in Plant Science

应邀为著名学术期刊审稿:

New Phytologist *Plant Biotechnology Journal* *Horticulture Research*
Journal of Ecology *Molecular Ecology Resources* *Heredity*
Science of The Total Environment *Journal of Systematics and Evolution*
Trends in Food Science & Technology *Industrial Crops & Products*
Plant Physiology and Biochemistry *Plant Cell Reports* *Plant Diversity*
Journal of Integrative Agriculture *Evolutionary Applications*
Frontiers in Plant Science *Frontiers in Ecology and Evolution*
Evolutionary Ecology *BMC Evolutionary Biology* *Ecological Applications*
Ecology and Evolution *Food Quality and Safety* *Scientific Reports*
Integrative Zoology *BMC Genomics* *PLoS ONE* *AoB Plants*
Conservation Genetics *Euphytica* *Plant Systematics and Evolution*
Transgenic Research *Biological Research* *Journal of Plant Ecology*
Scientia Horticulturae *Journal of Horticultural Science & Biotechnology*
Nordic Journal of Botany *Environmental Biosafety Research*

3. 奖项评审

2020 年 12 月　　江西省科学技术奖评审

4. 项目评审

2024 年至今　　湖北省科技厅项目评审
2024 年至今　　黑龙江省科技厅项目评审
2022 年至今　　湖南省科技厅项目评审
2022 年 9 月　　国家重点研发计划“农业生物重要性状形成与环境适应性基础研究”重点专项项目答辩评审
2022 年 6 月　　国家重点研发计划“战略性科技创新合作”重点专项项目中期检查答辩评审
2021 年至今　　云南省科技厅项目评审
2021 年 10 月　　国家重点研发计划“农业生物种质资源挖掘与创新利用”重点专项 2021 年度常规项目视频答辩评审
2019 年 10 月　　国家重点研发计划“主要经济作物优质高产与产业提质增效科技创新”重点专项 2019 年度立项项目视频答辩评审，第三专家组副组长
2019 年至今　　国家自然科学基金项目评审
2014 年至今　　南昌市科技局科技项目（农业种植组）评审
2016 年　　波兰国家科学中心研究项目评审

十、专（译）著与论文

（一）专（译）著

1. **戎俊**，杨小强，耿宇鹏，宋志平，卢宝荣译. **2015**. 弗里兰，柯克，彼得森著. 分子生态学（第二版）. 北京：高等教育出版社.
2. **Rong J**, Cao HP, Yuan DY, Gong WF eds. **2023.** Woody oil crops: Key trait formation and regulation. Lausanne: Frontiers Media SA.

（二）学术论文

1. Zhao Y, Liao LB, Zhu ZW, Zhang LD, Xiong ZD, Song ZP, Yan N, Zhong AW, Zhang J, Zhou CC*, **Rong J*. 2024.** *De novo* assembly of a near-complete genome of aquatic vegetable *Zizania latifolia* in the Yangtze River Basin. *Scientific Data* 11: 1341. https://doi.org/10.1038/s41597-024-04220-0
2. Xie HX, Xing KF, Zhou J, Zhao Y, Zhang J, **Rong J*. 2024.** Single-nucleotide polymorphisms and copy number variations drive adaptive evolution to freezing stress in a subtropical evergreen broad-leaved tree: hexaploid wild *Camellia oleifera*. *Plant Diversity*. https://doi.org/10.1016/j.pld.2024.07.009
3. 邢凯峰，张剑*，陈尚，张立冬，谢昊星，赵耀，**戎俊. 2024.** 普通油茶良种资源表型性状多样性分析与综合评价. 浙江大学学报(农业与生命科学版) 50: 244-257.
4. 张立冬，邢凯峰，朱仔伟，张剑，**戎俊**，赵耀*. **2024.** 中国水生蔬菜作物野生近缘种多样性热点区域模拟. 浙江大学学报(农业与生命科学版) 50: 258-269.
5. Xing KF, Zhang J*, Xie HX, Zhang LD, Zhang HX, Feng LY, Zhou J, Zhao Y, **Rong J. 2024.** Identification and analysis of MAPK cascade gene families of *Camellia oleifera* and their roles in response to cold stress. *Molecular Biology Reports* 51: 602.
6. Xing KF, Zou YJ, Xie HX, Chen S, Zhou J, Luo XT, Chen GH, Zhao Y, Deng ZY, **Rong J**, Li J*, Zhang J*. **2024.** Variation in Fruit Traits and Seed Nutrient Compositions of Wild *Camellia oleifera*: Implications for *Camellia oleifera* Domestication. *Horticulturae* 10: 450.
7. 邢凯峰，姚杏子，周军，谢昊星，陈容平，赵耀，**戎俊**，张剑*. **2024.** 冷胁迫下普通油茶 CCCH 型锌指蛋白基因家族的鉴定和分析. 经济林研究 42: 11-19.
8. 邢凯峰，谢昊星，张立冬，周军，冯立云，张华轩，陈尚，赵耀，**戎俊**，张剑*. **2024.** 不同种源野生油茶果实表型性状多样性分析. 植物遗传资源学报 25: 1106-1117.
9. Xie HX, Xing KF, Zhang J, Zhao Y, **Rong J*. 2024.** Genome survey and identification of key genes associated with freezing tolerance in genomic draft of hexaploid wild *Camellia oleifera*. *The Journal of Horticultural Science and Biotechnology* 99: 326-335. https://doi.org/10.1080/14620316.2023.2272155
10. Qin SY, Chen K, Zhang WJ, Xiang XG, Zuo ZY, Guo C, Zhao Y, Li LF, Wang

YG, Song ZP, Yang J, Yang XQ, Zhang J, Jin WT, Wen Q, Zhao SZ, Chen JK, Li DZ, **Rong J***. **2024.** Phylogenomic insights into the reticulate evolution of *Camellia* sect. *Paracamellia* Sealy (Theaceae). *Journal of Systematics and Evolution* 62: 38-54. https://doi.org/10.1111/jse.12948

11. Zhao SZ*, **Rong J*. 2024.** Single-cell RNA-seq reveals a link of ovule abortion and sugar transport in *Camellia oleifera*. *Frontiers in Plant Science* 15: 1274013. https://doi.org/10.3389/fpls.2024.1274013

12. 陈璐, 张剑*, 赵松子, 陈凯, 谢昊星, 张华轩, 冯立云, 赵耀, **戎俊. 2023.** 普通油茶与小果油茶的叶绿体基因分子鉴定标记. 经济林研究 41: 206-213, 262.

13. Cao HP*, Gong WF, **Rong J**, Yuan DY. **2023.** Editorial: Woody oil crops: key trait formation and regulation. *Frontiers in Plant Science* 14: 1328990. https://doi.org/10.3389/fpls.2023.1328990

14. Qin SY, Zuo ZY, Xu SX, Liu J, Yang FM, Luo YH, Ye JW, Zhao Y, **Rong J**, Liu B, Ma PF*, Li DZ*. **2023.** Anthropogenic disturbance driving population decline of a dominant tree in East Asia evergreen broadleaved forests over the last 11, 000 years. *Conservation Biology* 38: e14180. https://doi.org/10.1111/cobi.14180

15. Huang XY, Li YX, Lin HY, Wen XT, Liu J, Yuan ZF, Fu C, Zheng BF, Gong LQ, Zhan HY, Ni Y, Hu Y, Zhan P, Shi YK, **Rong J**, Shen RC*. **2023.** Flooding dominates soil microbial carbon and phosphorus limitations in Poyang Lake wetland, China. *Catena* 232: 107468.

16. Xie HX, Zhang J, Cheng JY, Zhao SZ, Wen Q, Kong P, Zhao Y, Xiang XG, **Rong J***. **2023.** Field plus lab experiments help identify freezing tolerance and associated genes in subtropical evergreen broadleaf trees: A case study of *Camellia oleifera*. *Frontiers in Plant Science* 14: 1113125. https://doi.org/10.3389/fpls.2023.1113125

17. Qin SY, Zuo ZY, Guo C, Du XY, Liu SY, Yu XQ, Xiang XG, **Rong J**, Liu B, Liu ZF, Ma PF*, Li DZ*. **2023.** Phylogenomic insights into the origin and evolutionary history of evergreen broadleaved forests in East Asia under Cenozoic climate change. *Molecular Ecology* 32: 2850-2868. https://doi.org/10.1111/mec.16904

18. Huang XY, Wang KX, Wen XT, Liu J, Zhang Y, **Rong J**, Nie M, Fu C, Zheng BF, Yuan ZF, Gong LQ, Zhan HY, Shen RC*. **2023.** Flooding duration affects the temperature sensitivity of soil extracellular enzyme activities in a lakeshore wetland in Poyang Lake, China. *Science of the Total Environment* 874: 162397.

19. Zhang LG, Li XQ, Jin WT, Liu YJ, Zhao Y, **Rong J**, Xiang XG*. **2023.** Asymmetric migration dynamics of the tropical Asian and Australasian floras. *Plant Diversity* 45: 20-26.

20. 黄幸运, 温秀婷, 张研, **戎俊**, 聂明, 郑博福, 沈瑞昌*. **2022.** 鄱阳湖苔草洲滩湿地土壤胞外酶活性和化学计量比的高程变化特征. 湖泊科学 34: 894-905.

21. Cui XY, Li CH, Qin SY, Huang ZB, Gan B, Jiang ZW, Huang XM, Yang XQ, Li Q, Xiang XG, Chen JK, Zhao Y*, **Rong J***. **2022.** High-throughput sequencing-based microsatellite genotyping for polyploids to resolve allele dosage uncertainty and improve analyses of genetic diversity, structure and differentiation: A case study of the hexaploid *Camellia oleifera*. *Molecular Ecology Resources* 22: 199-211.

22. Li Q, Zhao Y, Xiang XG, Chen JK*, **Rong J***. **2019.** Genetic Diversity of Crop Wild Relatives under Threats in Yangtze River Basin: Call for Enhanced *In situ* Conservation and Utilization. *Molecular Plant* 12: 1535-1538.

23. Zhao Y, Song ZP, Zhong L, Li Q, Chen JK, **Rong J***. **2019.** Inferring the origin of cultivated *Zizania latifolia*, an aquatic vegetable of a plant-fungus complex in the Yangtze River Basin. *Frontiers in Plant Science* 10: 1406.

24. 刘小亚, 李静, 温志刚, 黄小毛, **戎俊**, 刘小如, 邓泽元*. **2019.** 庐山和井冈山不同海拔高度野生油茶籽油及化学成分的比较. 中国食品学报 19: 248-256.

25. 陈小露, 陈百莹, 王玫, 李静, 邹玉璟, **戎俊**, 邓泽元*. **2019.** 10 个地区不同单粒质量野生油茶籽油及其营养成分的比较. 食品科学 40: 227-234.

26. Zhao Y, Zhong L, Zhou K, Song ZP, Chen JK, **Rong J***. **2018**. Seed characteristic variations and genetic structure of wild *Zizania latifolia* along a latitudinal gradient in China: implications for neo-domestication as a grain crop. *AoB PLANTS* 10: ply072.

27. 秦声远, **戎俊***, 张文驹, 陈家宽. **2018.** 油茶栽培历史与长江流域油茶遗传资源. 生物多样性 26: 384-395.

28. 张文驹*, **戎俊**, 韦朝领, 高连明, 陈家宽. **2018.** 栽培茶树的驯化起源与传播. 生物多样性 26: 357-372.

29. Huang XM, Chen JM, Yang XQ, Duan SH, Long C, Ge G*, **Rong J***. **2018.** Low genetic differentiation among altitudes in wild *Camellia oleifera*, a subtropical evergreen hexaploid plant. *Tree Genetics & Genomes* 14: 21.

30. Cui XY, Huang XM, Chen JM, Yang XQ, **Rong J***. **2018.** An efficient method for developing polymorphic microsatellite markers from high-throughput transcriptome sequencing: a case study of hexaploid oil-tea camellia (*Camellia oleifera*). *Euphytica* 214: 26.

31. Chen JM, Yang XQ, Huang XM, Duan SH, Long C, Chen JK, **Rong J***. **2017.** Leaf transcriptome analysis of a subtropical evergreen broadleaf plant, wild oil-tea camellia (*Camellia oleifera*), revealing candidate genes for cold acclimation. *BMC Genomics* 18: 211.

32. Xu SQ, Zhang JF, **Rong J**, Ma L, Tian L, Tian CJ*. **2017.** Composition shifts of arbuscular mycorrhizal fungi between natural wetland and cultivated paddy field. *Geomicrobiology Journal* 34: 834-839.

33. Jin X, Chen Y, Liu P, Li C, Cai XX, **Rong J**, Lu BR*. **2017.** Introgression from cultivated rice alters genetic structures of wild relative populations: implications for *in situ* conservation. *AoB PLANTS* 10: plx055.

34. Dong SS, Xiao MQ, Ouyang DX, **Rong J**, Lu BR, Su J, Wang F, Chen JK, Song ZP*. **2017.** Persistence of transgenes in wild rice populations depends on the interaction between genetic background of recipients and environmental conditions. *Annals of Applied Biology* 171: 202-213.

35. 崔相艳, 王文娟, 杨小强, 李述, 秦声远, **戎俊***. **2016.** 基于生态位模型预测野生油茶的潜在分布. 生物多样性 24: 1117-1128.

36. Ma ZG, Kong XP, Liu LJ, Ou CG, Sun TT, Zhao ZW, Miao ZJ, **Rong J**, Zhuang FY*. **2016.** The unique origin of orange carrot cultivars in China. *Euphytica* 212: 37-49.

37. 曾泰, **戎俊**, 王文娟, 李绍波, 陈家宽, 金斌松*. **2016.** 鄱阳湖流域五河水系放逸短沟蜷群体遗传结构初步分析. 水生生物学报 40: 211-216.

38. Wan Y, Zhou CH, Ouyang S, Huang XC, Zhan Y, Zhou P, **Rong J***, Wu XP*. **2015.** Genetic diversity analysis of mitochondrial DNA control region in artificially propagated Chinese sucker *Myxocyprinus asiaticus*. *Mitochondrial DNA* 26: 514-519.

39. 王哲, **戎俊**, 卢宝荣. **2015.** 杂草稻的发生、危害与我国水稻生产面临的挑战. 杂草科学 33: 1-9.

40. **Rong J***, Lammers Y, Schidlo NS, Ariyurek Y, de Jong TJ, Klinkhamer PGL, Smulders MJM, Vrieling K. **2014.** New insights into domestication of carrot from root transcriptome analyses. *BMC Genomics* 15: 895.

41. Xia H, Zheng X, Chen L, Gao H, Yang H, Long P, **Rong J**, Lu BR, Li J, Luo L*. **2014.** Genetic differentiation revealed by selective loci of drought-responding EST-SSRs between upland and lowland rice in China. *PLoS ONE* 9: e106352.

42. Huang XC, **Rong J**, Liu Y, Zhang MH, Wan Y, Ouyang S, Zhou CH*, Wu XP*. **2013.** The complete maternally and paternally inherited mitochondrial genomes of the endangered freshwater mussel *Solenaia carinatus* (Bivalvia: Unionidae) and implications for Unionidae taxonomy. *PLoS ONE* 8: e84352.

43. Ellstrand NC, Meirmans P, **Rong J**, Bartsch D, Ghosh A, de Jong TJ, Haccou P, Lu BR, Snow AA, Stewart Jr CN, Strasburg JL, van Tienderen PH, Vrieling K, Hooftman D. **2013.** Introgression of crop alleles into wild or weedy populations. *Annual Review of Ecology, Evolution, and Systematics* 44: 325-345.

44. **Rong J***, Xu S, Meirmans PG, Vrieling K. **2013.** Dissimilarity of contemporary and historical gene flow in a wild carrot (*Daucus carota*) metapopulation under

contrasting levels of human disturbance: implications for risk assessment and management of transgene introgression. *Annals of Botany* 112: 1361-1370.

45. Zhao Y, Vrieling K, Liao H, Xiao MQ, Zhu YQ, **Rong J**, Zhang WJ, Wang YG, Yang J, Chen JK, Song ZP*. **2013.** Are habitat fragmentation, local adaptation and isolation-by-distance driving population divergence in wild rice *Oryza rufipogon*? *Molecular Ecology* 22: 5531-5547.

46. de Jong TJ*, **Rong J**. **2013.** Crop-to-wild gene flow: does more sophisticated research provide better risk assessment? *Environmental Science & Policy* 27: 135-140.

47. **Rong J**, Wang F, Song ZP, Su J, Chen R, Lu BR. **2012.** Scale effect on rice pollen-mediated gene flow: implications in assessing transgene flow from genetically engineered plants. *Annals of Applied Biology* 161: 3-11.

48. Zhao Y, Chen CB, **Rong J**, Dong SS, Liao H, Lu F, Lu BR, Chen JK, Song ZP. **2012.** Population clonal diversity and fine-scale genetic structure in *Oryza officinalis* (Poaceae) from China, implications for *in situ* conservation. *Genetic Resources and Crop Evolution* 59: 113-124.

49. Dong SS, Xiao MQ, **Rong J**, Liao H, Lu BR, Chen JK, Song ZP. **2011.** No effect of transgene and strong wild parent effects on seed dormancy in crop-wild hybrids of rice: implications for transgene persistence in wild populations. *Annals of Applied Biology* 159: 348-357.

50. Grebenstein C, Choi YH, **Rong J**, de Jong TJ, Tamis WLM. **2011.** Metabolic fingerprinting reveals differences between shoots of wild and cultivated carrot (*Daucus carota* L.) and suggests maternal inheritance or wild trait dominance in hybrids. *Phytochemistry* 72: 1341-1347.

51. **Rong J***, Janson S, Umehara M, Ono M, Vrieling K. **2010.** Historical and contemporary gene dispersal in wild carrot (*Daucus carota* ssp. *carota*) populations. *Annals of Botany* 106: 285-296.

52. **Rong J**, Song ZP, de Jong TJ, Zhang XS, Sun SG, Xu X, Xia H, Liu B, Lu BR. **2010.** Modelling pollen-mediated gene flow in rice: risk assessment and management of transgene escape. *Plant Biotechnology Journal* 8: 452-464.

53. Xia H, Lu BR, Su J, Chen R, **Rong J**, Song ZP, Wang F. **2009.** Normal expression of insect-resistant transgene in progeny of common wild rice crossed with genetically modified rice: its implication in ecological biosafety assessment. *Theoretical and Applied Genetics* 119: 635-644.

54. **Rong J**, Lu BR, Song ZP, Su J, Snow AA, Zhang XS, Sun SG, Chen R, Wang F. **2007.** Dramatic reduction of crop-to-crop gene flow within a short distance from transgenic rice fields. *New Phytologist* 173: 346-353.

55. Song ZP, Zhu WY, **Rong J**, Xu X, Chen JK, Lu BR. **2006.** Evidences of introgression from cultivated rice to *Oryza rufipogon* (Poaceae) populations

based on SSR fingerprinting: implications for wild rice differentiation and conservation. *Evolutionary Ecology* 20: 501-522.

56. Cao QJ, Lu BR, Xia H, **Rong J**, Sala F, Spada A, Grassi F. **2006.** Genetic diversity and origin of weedy rice (*Oryza sativa* f. *spontanea*) populations found in North-eastern China revealed by simple sequence repeat (SSR) markers. *Annals of Botany* 98: 1241-1252.

57. **戎俊**, 宋志平, 苏军, 夏辉, 王锋, 卢宝荣. **2006.** *Bt/CpTI* 转基因稻及其非转基因亲本对照在间隔种植条件下的转基因漂移. 生物多样性 14: 309-314.

58. Song ZP, Guan Y, **Rong J**, Xu X, Lu BR. **2006.** Inter-simple sequence repeat (ISSR) variation in populations of the cutgrass *Leersia hexandra*. *Aquatic Botany* 84: 359-362.

59. Xu X, Lu BR, Chen YH, Xu M, **Rong J**, Ye PY, Chen JK, Song ZP. **2006.** Inferring population history from fine-scale spatial genetic analysis in *Oryza rufipogon* (Poaceae). *Molecular Ecology* 15: 1535-1544.

60. **Rong J**, Song ZP, Su J, Xia H, Lu BR, Wang F. **2005.** Low frequency of transgene flow from *Bt/CpTI* rice to its nontransgenic counterparts planted at close spacing. *New Phytologist* 168: 559-566.

61. **Rong J**, Xia H, Zhu YY, Wang YY, Lu BR. **2004.** Asymmetric gene flow between traditional and hybrid rice varieties (*Oryza sativa*) indicated by nuclear simple sequence repeats and implications for germplasm conservation. *New Phytologist* 163: 439-445.